среди беременных женщин с СЗРП и пациенток с физиологическим течением беременности. Пациенты и методы. Клинико-лабораторное обследование беременных проводили на базе перинатального центра Белгородской ОКБ Свт. Иоасафа. Типирование молекулярно-генетических маркеров осуществляли методом ПЦР в лаборатории молекулярной генетики человека Белгородского ГУ. Результаты. Обследованы 500 пациенток в III триместре беременности, являющиеся уроженками Центрального Черноземья. У 250 женщин беременность была осложнена развитием хронической фето-плацентарной недостаточности с формированием СЗРП различной степени тяжести. У 250 пациенток беременность протекала без отклонений от нормы (контрольная группа). Средний возраст беременных в группе с СЗРП составил 26,78±4,81 года (варьировал от 16 до 45 лет), в группе контроля - $26,20\pm5,01$ года (варьировал от 19 до 41 года) (p>0,05). Таким образом, группа контроля не отличалась от группы с плацентарной недостаточностью и СЗРП по возрасту, полу, национальности и месту рождения. В группе беременных с СЗРП легкая степень тяжести наблюдали у 133 (53,20%) женщин, ІІ степень тяжести СЗРП - у 96 (38,40%) пациенток, а III степень тяжести СЗРП – у 21 (8,40%) беременной. Таким образом, у 46,80% женщин имела место выраженная акушерская патология в виде СЗРП II и III степени. Распространеность генотипов маркера FV 1691G/A среди пациенток с СЗРП и в группе контроля составила: для 1691GGFV-95,95 и 97,35% ($\chi^2=0,34;$ p=0,56), для 1691GAFV – 3,64 и 2,65% (х²=012; p=0,73), для 1691AAFV – 0,40 и 0% ($\chi^2=0,001$; p=1,00). Однако полученные результаты не достигли статистически достоверных различий. Выводы. Изучена распространенность полиморфизма V фактора коагуляции FV 1691G/A среди беременных с синдромом задержки роста плода и пациенток с физиологическим течением беременности на примере уроженок Центрального Черноземья. Генетический маркер FV 1691G/A не ассоциирован с развитием синдрома задержки роста плода.

ВЗАИМОСВЯЗЬ ПОЛИМОРФИЗМА +36A/GTNFR1 С ФОРМИРОВАНИЕМ ПРЕЭКЛАМПСИИ Е.Н. Каганович, И.С. Добродомова

Научный руководитель – д.м.н., проф. М.И. Чурносов Белгородский государственный национальный исследовательский университет, Белгород, Россия

THE RELATIONSHIP OF POLYMORPHISM +36 A/GTNFR1 TO FORM PRE-ECLAMPSIA

E.N. Kaganovich, I.S. Dobrodomova

Scientific Advisor – DMedSci, Prof. M.I. Churnosov Belgorod State National Research University, Belgorod, Russia

Введение. Преэклампсия — это грозное осложнение беременности, родов и послеродового периода. Несмотря на то, что в патогенезе преэклампсии участвуют множество факторов, в последние годы наибольшее внимание уделяют эндотелиальной дисфункции. Плацентарная ишемия приводит к высвобождению многочисленных плацентарных факторов, которые оказывают существенное влияние на крово-

ток и регуляцию сосудистого русла. Эти факторы включают в себя цитокины, которые последовательно формируют масштабную дисфункцию эндотелия материнских сосудов. Цель исследования. Изучение взаимосвязи генетического полиморфизма +36A/GTNFR1 (rs767455) с формированием преэклампсии. Пациенты и методы. Выборка беременных была сформирована на базе перинатального центра Белгородской ОКБ Свт. Иоасафа. Общий объем исследуемой выборки составил 492 человека - 247 пациенток с преэклампсией и 245 женщин популяционного контроля. Формирование выборок больных и популяционного контроля (средний возраст варьировал от 18 до 42 лет. p>0.05) осуществляли сплошным методом. В них включали индивидуумы русской национальности, являющиеся уроженцами Центрального Черноземья России и не имеющие родства между собой. Материалом для исследования послужила венозная кровь в объеме 8-9 мл, взятая из локтевой вены пробанда. Выделенную ДНК использовали для проведения полимеразной цепной реакции синтеза с использованием стандартных олигонуклеотидных праймеров. Электрофоретическое разделение продуктов амплификации проводили в 2% агарозном геле, предварительно окрашенном бромистым этидием. Результаты анализировали в проходящем ультрафиолетовом свете в темном боксе с трансиллюминатором. Результаты. Анализ полученных данных показывает, что для изученных локусов у беременных с преэклампсией и в популяционном контроле эмпирическое распределение генотипов соответствует теоретически ожидаемому при равновесии Хайди-Вайнберга (р>0,05). Установлено, что частоты аллелей и генотипов локуса +36А/ GTNFR1 (rs767455) были следующие: у беременных с преэклампсией частота гомозиготы АА - 26,03%, гетерозиготы AG - 49,59%, гомозиготы GG - 26,38%, частоты аллелей А и G равны 50,83 и 49,17% соответственно. В популяционном контроле обнаружены следующие частоты генотипов: гомозиготы AA - 23,60%, гетерозиготы AG - 49,60%, гомозиготы GG - 26,80%, частоты аллелей A и G равны 48,40 и 51,60% соответственно. При сравнительном анализе распределения частот аллелей и генотипов полиморфного маркера +36A/GTNFR1 (rs767455) в популяционном контроле и у беременных с преэклампсией статистически достоверных различий не выявлено (р>0,05). Выводы. Можно отметить, что генетический полиморфизм +36А/ GTNFR1 (rs767455) не ассоциирован с развитием преэклампсии.

ВЗАИМОСВЯЗЬ ПОЛИМОРФИЗМА +677С/ТМТНFR С РАЗВИТИЕМ ХРОНИЧЕСКОЙ ФЕТОПЛАЦЕНТАРНОЙ НЕДОСТАТОЧНОСТИ С СИНДРОМОМ ЗАДЕРЖКИ РОСТА ПЛОДА

О.С. Кокорина

Научный руководитель – д.м.н., проф. М.И. Чурносов Белгородский государственный национальный исследовательский университет, Белгород, Россия

THE CORRELATION OF A ROLE OF POLYMORPHISM +677C/TMTHFR WITH THE CHRONIC FETOPLACENTAL INSUFFICIENCY AND DELAY SYNDROME OF PRENATAL DEVELOPMENT

O.S. Kokorina